

**EVALUACIÓN DE LA POBLACIÓN DE GANADO BOVINO CRIOLLO ARGENTINO
DE LA ESTACIÓN ZOOTÉCNICA SUBTROPICAL ARROYO DEL MEDIO
(PROVINCIA DE JUJUY) MEDIANTE LA UTILIZACIÓN DEL MARCADOR
GENÉTICO MOLECULAR BoLA-DRB3**

Giovambattista G; Ripoli MV; Golijow CD; Sanchez Mera M; Dulout F.

*Resumen: Se estudió la variabilidad genética en el locus. BoLA-DRB5 de la población de ganado bovino Criollo Argentino localizada, en la Estación Zootécnica Subtropical Arroyo del Medio (Provincia de Jujuy). Algunas características de la población analizada son comunes a las de otros rodeos de la raza estudiados previamente Sin embargo, el rodeo de Arroyo del Medio presenta características propias como la presencia de las variantes alélicas DRB3.2~5, DRB3.2~10, DRB3.2~20 y DRB3.2~24 del locus BoLA-DRB3 con frecuencias superiores al 10%. A pesar del aislamiento geográfico sufrido por un largo lapso y el reducido tamaño de la población, el análisis de los resultados muestra una elevada heterocigosis, sin que se observe la fracción de alguna de las variantes alélicas para el locus estudiado. Las frecuencias genotípicas estimadas para el locus BOLA-DRB3 indican que la Población se encontraría en equilibrio de Hardy-Weinberg. A partir de los datos observados en el presente trabajo surge que cuando se analiza un locus muy polimórfico como el BoLA-DRB3, el tamaño poblacional resulta ser insuficiente para el mantenimiento de todas las variantes presentes en la raza. (Resumen hasta 200 palabras) **Analecta Veterinaria 17 (1/2/3): 26-30, 1997***

Sin título en inglés

*Abstract: The genetic variability of the locus BoLA-DRB3 was studied in a population of Argentine Creole cattle located in the Estacion Zootécnica Subtropical Arroyo del Medio (Province of Jujuy Argentine). The population studied had similar features with other herds of Argentine Creole cattle previously studied However the herd of Arroyo del Medio allowed its own characteristic, as it allelic variants DRB3.2~5, DRB3.2~10, DRB3.2~20 and DRB3.2~24 locus with frequencies higher than 10%. The population size and mating system could be enough to avoid the increment of inbreeding. From the data obtained it can be seen that the population had all the allelic variant reported for the breed for loci with low polymorphism For a high polymorphic locus, like BoLA DRB3 the population size was not sufficient to conserve all the allelic variant. (Abstract up to 200 words) **Analecta Veterinaria 17 (1/2/3): 26-30, 1997***