

Determinación de resistencia antimicrobiana en *Staphylococcus pseudintermedius* aislados de muestras clínicas de caninos

ELIZABETH LANCASTER, CAMILA MOREIRA Y LETICIA DIANA

Facultad de Veterinaria, Universidad de la República (UDELAR). Montevideo, Uruguay

e.lancaster23@gmail.com

El *Staphylococcus pseudintermedius* es un patógeno adaptado a la familia Canidae, es oportunista y vive de forma comensal en piel y mucosas, siendo el patógeno más frecuentemente aislado en la especie *Canis lupus familiaris*. La resistencia a antimicrobianos (RAM) es un problema mundial de creciente impacto en salud humana y animal. Por esta razón se creó el concepto «Una Salud» donde se destaca la importancia de combatir esta problemática de forma unificada. El objetivo de este trabajo fue estudiar la resistencia presente en muestras clínicas de cepas de *Staphylococcus pseudintermedius* obtenidas de caninos como también los genes involucrados en estos mecanismos de resistencia. Se analizaron 34 cepas identificadas como *S. pseudintermedius* por PCR convencional para estudiar la resistencia mediante antibiogramas, siguiendo el método de disco difusión bajo las recomendaciones del Clinical & Laboratory Standards Institute (CLSI). Los antibióticos seleccionados fueron oxacilina, gentamicina, eritromicina, lincomicina y clindamicina. Finalmente, a las cepas resistentes se les buscaron los genes de resistencia (*mecA*, *blaZ*, *ermA*, *ermB*, *ermC*, *msrA*, *InuA*,

aac(6')/aph(2'')) mediante PCR convencional. La resistencia fenotípica encontrada fue un 41,2 % (14/34) a meticilina, 32,3 % (11/34) a gentamicina, 64,7 % (22/34) a eritromicina, 61,7 % (21/34) a clindamicina y 64,7% (22/34) a lincomicina, finalmente 67,6 % (23/34) presentaron resistencia a más de dos familias de antibióticos demostrando ser cepas multirresistentes. Respecto a los estudios moleculares se encontró la presencia del gen *mecA* en 13 de las 14 cepas meticilino resistentes. El gen *blaZ* se encontró en 30 de las 34 cepas estudiadas y de las 11 cepas resistentes a gentamicina 7 presentaron el gen *aac(6')/aph(2'')*. En relación a la eritromicina se encontró solo la presencia del gen *ermB* en las 22 cepas resistentes. Finalmente encontramos la presencia del gen *InuA* en 3 de las 22 cepas resistentes a lincomicina. Es fundamental continuar con el estudio de más aislamientos y de la resistencia bacteriana en general con el fin de concientizar en el uso responsable de los antimicrobianos.

Palabras clave: *Staphylococcus pseudintermedius*, antibiótico-resistencia, «Una Salud».