

## **Desarrollando un entorno de trabajo para integración, curado y utilización de datos genómicos.**

**Bernardo J. Clavijo<sup>[1]</sup>, Máximo Rivarola<sup>[2]</sup>, Paula Fernandez<sup>[1,2]</sup>, Sergio Gonzalez<sup>[1,3]</sup>, Marisa Farber<sup>[1,2]</sup>, Norma Paniego<sup>[1,2]</sup>**

*[1] Instituto de Biotecnología, INTA Castelar, Buenos Aires, Argentina.*

*[2] Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Argentina.*

*[3] Facultad de Ingeniería, Universidad de Buenos Aires, Argentina.*

### **Resumen**

*En este trabajo se presenta el desarrollo de un entorno de almacenamiento y manipulación de datos genómicos, nacido a partir de la necesidad de contar con un esquema de datos que permita el trabajo colaborativo sobre un conjunto de datos bien caracterizados, posibilitando la integración de diferentes análisis y el máximo aprovechamiento de la información. Este entorno, basado en un esquema Chado, con un navegador y una interface web para el acceso a los datos, e integrado a herramientas comunitarias como Galaxy que facilita el uso recursos de workflows de procesamiento, representa un esquema muy difundido en la actualidad en varios proyectos genómicos, facilitando la integración e interpretación de datos y siendo la base para futuros avances en el manejo de información genómica.*

### **Abstract**

*In this work we describe the development of a storage and manipulation environment for genomic data, created to satisfy the need for a data schema allowing collaboration over a well characterized data set and the integration of data from different analysis. this environment, based on Chado, with a browser and a web interface, integrating community tools such as Galaxy for workflow processing, represents a well known scheme from various modern genomic projects, allowing data integration and interpretation, being a good base for future advances in genomic information management.*