

A6 - Material suplementario: Análisis bioinformático de la enzima Timidilato Sintasa de Candidatus Poseidoniales archaeon

Secuencia	%Identidad	Organismo	Código NCBI
1	100	Candidatus Poseidoniales archaeon	DAC32365.1
2	88	Acidimicrobiaceae bacterium	MAP98708.1
3	91,29	Euryarchaeota archaeon	MAE78661.1
4	76	Alphaproteobacteria bacterium	NVJ71056.1
5	70	Pseudomonas aeruginosa	VFT44992.1
6	61	Alloprevotella tannerae ATCC 51259	EEX70573.1
7	55	Aureimonas sp. AU40	WP_06211400 8.1
8	50	Planctomycetes bacterium	MBK8975477.1
9	54	Candidatus Peribacteria bacterium	MSR87052.1
10	45	Delftia phage RG-2014	YP_009351922 .1
11	40	Lasallia pustulata	SLM40774.1
12	35	Candidatus Pacearchaeota archaeon	MBI2045214.1
13	30	Lentisphaerae bacterium ADurb.Bin242	OQA84413.1
14	20	Rhodobacteraceae bacterium	MBC8408728.1
15	14	deoxyuridylate hydroxymethyltransferase [Acinetobacter phage SH-Ab 15599]	AXF41386.1

Tabla S1. Características de las secuencias elegidas para el alineamiento múltiple.

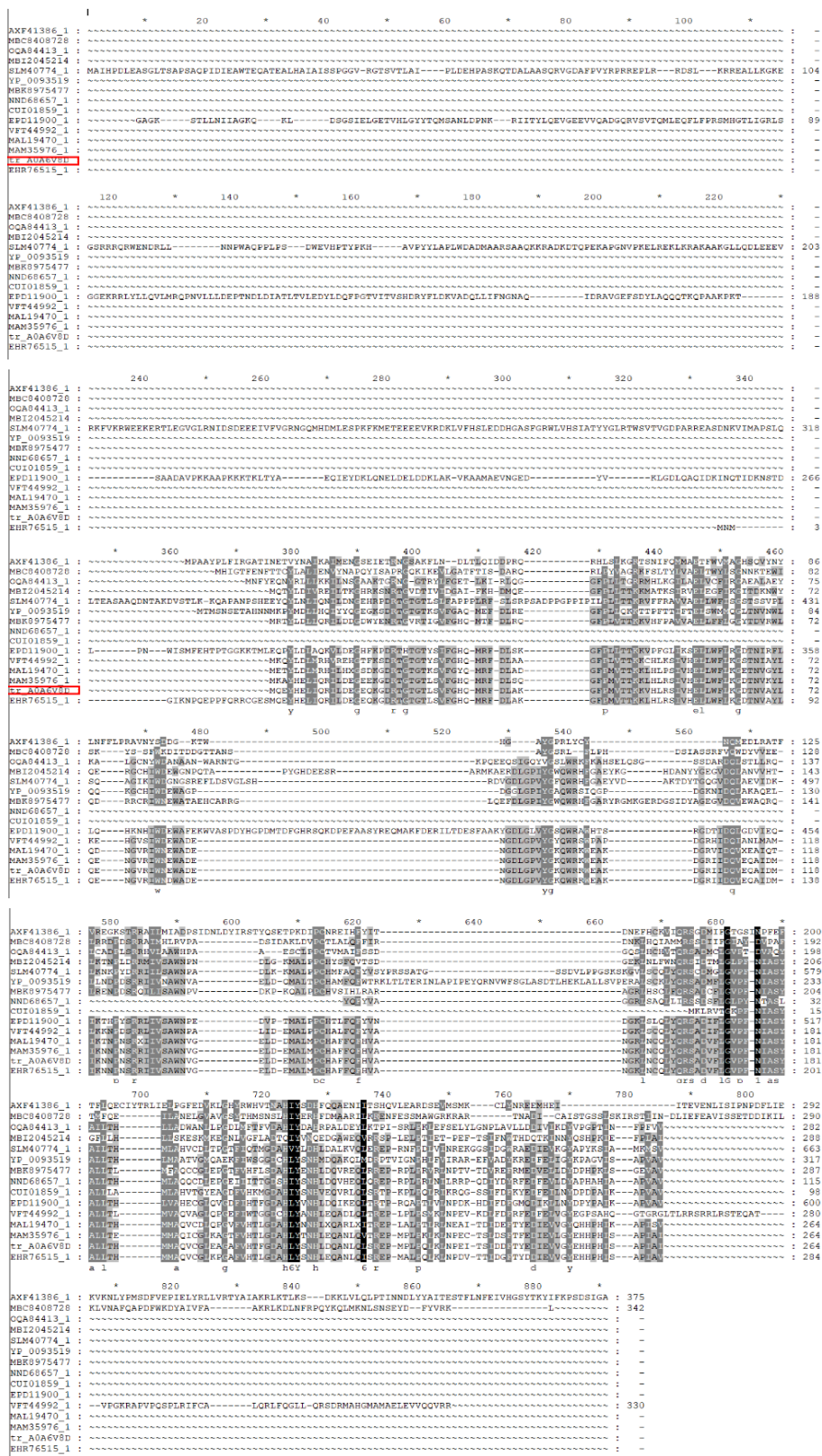


Figura 1. Alineamiento de las 15 secuencias seleccionadas al azar. El recuadro en rojo marca la secuencia de la proteína de interés.