

RELACIONES FILOGENÉTICAS Y RADIACIÓN GEOGRÁFICA DE *LITOMOSOIDES* (NEMATODA: ONCHOCERCIDAE) BASADA EN DATOS MOLECULARES

Notarnicola, Juliana¹; Jiménez, F. Agustín²; Gardner, Scott L.³

¹ Instituto de Biología Subtropical IBS, CCT Nordeste - CONICET, UnaM, ² Department of Zoology, Southern Illinois University, Carbondale, IL 62901, USA. ³ Harold W. Manter Laboratory of Parasitology, University of Nebraska, Lincoln Nebraska 68588. E-mail: julinota@yahoo.com.ar

El género *Litomosoides* (Nematoda: Onchocercidae) incluye 41 especies que parasitan la cavidad torácica y abdominal de micromamíferos, entre ellos 4 familias de quirópteros (Vespertilionidae, Molosidae, Phyllostomidae y Mormopidae), 4 familias de roedores (Cricetidae, Ctenomidae, Sciuridae, Echimyidae) y 1 familia de marsupiales (Didelphidae). Su distribución geográfica abarca exclusivamente el continente americano, desde el sur de los EEUU hasta el norte de la Patagonia Argentina, ocurriendo principalmente en cricétidos Sudamericanos. Actualmente se ha sugerido a los murciélagos como el grupo basal que alberga *Litomosoides* y posteriormente por host-switching o transferencia horizontal pasó a grupos dispares como roedores y marsupiales. Estas conclusiones tuvieron su base en reconstrucciones filogenéticas utilizando caracteres morfológicos de las especies de *Litomosoides*, resultando árboles no bien resueltos. En este trabajo, presentamos una reconstrucción filogenética que incluye 14 especies de *Litomosoides* basadas en genes mitocondriales. Esta reconstrucción nos permite probar su asociación ancestral con seis grupos de mamíferos y el origen ancestral geográfico. *Litomosoides* surgió inequívocamente en los murciélagos Sudamericanos, probablemente filostómidos, y cambió de hospedador al menos dos veces, con un evento que involucra murciélagos mormópidos y otro a roedores cricetidos. La asociación de *Litomosoides* con los roedores cricetidos originó una expansión geográfica hacia América del Norte, lo que pudo haber ocurrido independientemente en al menos dos linajes: uno en cricétidos y otro en geómidos debido a la aparición inesperada de *Litomosa westi* en el clado de *Litomosoides*. La inclusión de especies adicionales es necesaria para testear la relación de este último grupo hermano y la relación de las especies que parasitan marsupiales e histricognatos.

PALABRAS CLAVE: micromamíferos, helmintos, *filarias*, relaciones filogenéticas, radiación geográfica.

FINANCIAMIENTO: Fulbright-CONICET 2008, PICT 1348-2015 a JN; DUE 1564969 a FAJ; NSF grants BSR-9024816, DEB-9496263, DEB-9631295, DBI-0646356 y DBI-0097019 to SLG.

COMUNIDADES DE HELMINTOS EN AVES MIGRATORIAS: ¿QUÉ FACTORES INTERVIENEN EN SU ESTRUCTURACIÓN?

Capasso, Sofía¹; Verónica D'Amico²; Julia I. Diaz¹

¹Centro de Estudios Parasitológicos y de Vectores (CEPAVE), FCNyM, UNLP, CONICET, ²Centro para el Estudio de Sistemas Marinos (CESIMAR) Centro Nacional Patagónico (CENPAT-CONICET). E-mail: scapasso@cepave.edu.ar

Los patrones de infección por parásitos en general están influenciados, entre otros factores, por las características de la historia de vida de sus hospedadores. En las aves, se ha sugerido que el comportamiento migratorio afecta la composición y abundancia de parásitos en un hospedador. El objetivo de este trabajo fue caracterizar las comunidades de helmintos de dos especies de aves playeras migratorias neárticas en sus sitios no reproductivos de la Patagonia argentina, y evaluar qué factores influyen en su estructuración. Se obtuvieron y analizaron en busca de helmintos un total de 44 *Calidris bairdii* (CB) y 50 *Calidris fuscicollis* (CF), colectados en diversos sitios costeros marinos y continentales de las provincias de Chubut, Santa Cruz y Tierra del Fuego. Se calcularon parámetros ecológicos a nivel de comunidad componente (CC) y de infracomunidades (IC). No se observaron especies centrales en ninguna de las CC, la riqueza parasitaria y la prevalencia total fueron mayores en CB que en CF (24 vs 17 y 100% vs. 66% respectivamente). Los valores de riqueza, diversidad, equitatividad y abundancia en las IC fueron en general bajos, siendo menores en CF. Las IC se caracterizaron por ser heterogéneas, desestructuradas e impredecibles. La competencia intraespecífica y las interacciones entre especies no fueron significativas. Los resultados observados sugieren que las comunidades de helmintos de CB y CF se estructuran sobre la base de similitudes y diferencias. Las similitudes estarían determinadas por i) compartir áreas de nidificación, ii) compartir parcialmente rutas migratorias, iii) poseer similares hábitos tróficos y iv) estar emparentadas filogenéticamente. Mientras que las diferencias observadas entre CB y CF podrían atribuirse a i) la diversidad de ambientes frecuentados, ii) el número de paradas de alimentación y descanso iii) amplitud en la dieta y la oferta trófica en las paradas migratorias, iv) el grado de especificidad entre parásitos y hospedadores.

Palabras clave: helmintos, aves migratorias, Patagonia, comunidades, ecología