

Table S2: Pair-wise p-distance values for aligned ITS (lower left triangle) and EF1A-RPB1-RPB2 (upper right) marker sequences.

| Genus, species, type strain / isolate designations | (1) | (2) | (3) | (4) | (5) | (6) | (7) | (8) | (9) | (10) | (11) | (12) | (13) | (14) | (15) | (16) | (17) | (18) | (19) | (20) | (21) | (22) | (23) | (24) | (25) | (26) | (27) | (28) | (29) | (30) | EF1A-RPB1-RPB2 |
|---|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|----------------|
| (1) Isolate CEP 054 | | 0,000 | 0,000 | 0,004 | 0,007 | 0,081 | 0,050 | 0,063 | 0,053 | 0,072 | 0,043 | 0,042 | 0,044 | 0,042 | n.a. | 0,064 | 0,071 | 0,070 | 0,071 | 0,070 | 0,104 | 0,095 | 0,100 | 0,064 | 0,062 | 0,089 | 0,071 | 0,104 | 0,102 | 0,113 | (1) |
| (2) Isolate CEP 057 | 0,000 | | 0,000 | 0,004 | 0,007 | 0,081 | 0,050 | 0,063 | 0,053 | 0,072 | 0,043 | 0,042 | 0,044 | 0,042 | n.a. | 0,064 | 0,071 | 0,070 | 0,071 | 0,070 | 0,104 | 0,095 | 0,100 | 0,064 | 0,062 | 0,089 | 0,071 | 0,104 | 0,102 | 0,113 | (2) |
| (3) Isolate CEP 108 | 0,000 | 0,000 | | 0,004 | 0,007 | 0,081 | 0,050 | 0,063 | 0,053 | 0,072 | 0,043 | 0,042 | 0,044 | 0,042 | n.a. | 0,064 | 0,071 | 0,070 | 0,071 | 0,070 | 0,104 | 0,095 | 0,100 | 0,064 | 0,062 | 0,089 | 0,071 | 0,104 | 0,102 | 0,113 | (3) |
| (4) <i>Lecanicillium uredinophilum</i> TYPE KACC 44082 | n.a. | n.a. | n.a. | | 0,005 | 0,080 | 0,049 | 0,062 | 0,054 | 0,071 | 0,044 | 0,043 | 0,044 | 0,042 | n.a. | 0,063 | 0,071 | 0,070 | 0,070 | 0,069 | 0,103 | 0,093 | 0,097 | 0,065 | 0,063 | 0,089 | 0,070 | 0,102 | 0,101 | 0,112 | (4) |
| (5) <i>Lecanicillium uredinophilum</i> KUN 101466 | 0,002 | 0,002 | 0,002 | n.a. | | 0,080 | 0,047 | 0,062 | 0,055 | 0,071 | 0,044 | 0,043 | 0,043 | 0,043 | n.a. | 0,063 | 0,072 | 0,069 | 0,069 | 0,068 | 0,104 | 0,093 | 0,097 | 0,065 | 0,062 | 0,087 | 0,070 | 0,102 | 0,101 | 0,113 | (5) |
| (6) <i>Lecanicillium uredinophilum</i> QHLA | 0,018 | 0,018 | 0,018 | n.a. | 0,023 | | 0,000 | 0,077 | 0,075 | 0,073 | 0,063 | 0,061 | 0,064 | 0,064 | n.a. | 0,070 | 0,075 | 0,079 | 0,078 | 0,078 | 0,108 | 0,104 | 0,109 | 0,079 | 0,076 | 0,097 | 0,083 | 0,113 | 0,089 | 0,115 | (6) |
| (7) " <i>Lecanicillium</i> sp."/> <i>L. zaquensis</i> " HMAS 246917 | 0,015 | 0,015 | 0,015 | n.a. | 0,017 | 0,000 | | 0,050 | 0,018 | 0,041 | 0,033 | 0,030 | 0,034 | 0,036 | n.a. | 0,033 | 0,043 | 0,042 | 0,044 | 0,041 | 0,063 | 0,052 | 0,069 | 0,038 | 0,019 | 0,044 | 0,048 | 0,059 | 0,083 | 0,087 | (7) |
| (8) <i>Akanthomyces lecanii</i> TYPE CBS 101247 | 0,022 | 0,022 | 0,022 | n.a. | 0,025 | 0,026 | 0,027 | | 0,021 | 0,063 | 0,047 | 0,046 | 0,049 | 0,050 | n.a. | 0,063 | 0,069 | 0,068 | 0,069 | 0,067 | 0,105 | 0,098 | 0,107 | 0,067 | 0,057 | 0,094 | 0,070 | 0,102 | 0,092 | 0,107 | (8) |
| (9) <i>Akanthomyces sabanensis</i> TYPE ANDES-F 1024 | 0,023 | 0,023 | 0,023 | n.a. | 0,026 | 0,018 | 0,023 | 0,007 | | 0,061 | 0,040 | 0,041 | 0,042 | 0,041 | n.a. | 0,055 | 0,056 | 0,059 | 0,062 | 0,058 | 0,093 | 0,086 | 0,089 | 0,055 | 0,049 | 0,086 | 0,058 | 0,097 | 0,093 | 0,095 | (9) |
| (10) <i>Akanthomyces dipterigenus</i> TYPE CBS 126.27 | 0,021 | 0,021 | 0,021 | n.a. | 0,023 | 0,032 | 0,019 | 0,027 | 0,023 | | 0,055 | 0,054 | 0,055 | 0,056 | n.a. | 0,064 | 0,071 | 0,070 | 0,071 | 0,068 | 0,103 | 0,096 | 0,095 | 0,073 | 0,064 | 0,093 | 0,082 | 0,101 | 0,097 | 0,108 | (10) |
| (11) <i>Akanthomyces attenuatus</i> TYPE CBS 170.76 | 0,017 | 0,017 | 0,017 | n.a. | 0,017 | 0,032 | 0,015 | 0,031 | 0,028 | 0,017 | | 0,002 | 0,005 | 0,007 | n.a. | 0,047 | 0,056 | 0,057 | 0,055 | 0,055 | 0,095 | 0,086 | 0,093 | 0,055 | 0,041 | 0,084 | 0,061 | 0,090 | 0,085 | 0,105 | (11) |
| (12) <i>Akanthomyces muscarius</i> TYPE CBS 143.62 | 0,017 | 0,017 | 0,017 | n.a. | 0,017 | 0,032 | 0,015 | 0,031 | 0,028 | 0,017 | 0,000 | | 0,004 | 0,006 | n.a. | 0,046 | 0,055 | 0,056 | 0,054 | 0,054 | 0,094 | 0,084 | 0,091 | 0,054 | 0,042 | 0,084 | 0,059 | 0,089 | 0,083 | 0,105 | (12) |
| (13) <i>Akanthomyces pissodis</i> BBC7 | 0,017 | 0,017 | 0,017 | n.a. | 0,017 | 0,032 | 0,015 | 0,031 | 0,028 | 0,017 | 0,000 | 0,000 | | 0,008 | n.a. | 0,046 | 0,056 | 0,056 | 0,055 | 0,055 | 0,095 | 0,086 | 0,093 | 0,055 | 0,043 | 0,085 | 0,060 | 0,091 | 0,086 | 0,107 | (13) |
| (14) <i>Akanthomyces neocoleopterorum</i> TYPE GY11241 | 0,015 | 0,015 | 0,015 | n.a. | 0,017 | 0,023 | 0,013 | 0,029 | 0,026 | 0,015 | 0,006 | 0,006 | 0,006 | 0,000 | n.a. | 0,049 | 0,056 | 0,058 | 0,056 | 0,056 | 0,095 | 0,086 | 0,092 | 0,056 | 0,042 | 0,083 | 0,062 | 0,091 | 0,087 | 0,106 | (14) |
| (15) <i>Akanthomyces lepidopterorum</i> SD05151 | 0,015 | 0,015 | 0,015 | n.a. | 0,017 | 0,023 | 0,013 | 0,029 | 0,026 | 0,015 | 0,006 | 0,006 | 0,006 | 0,000 | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | n.a. | (15) |
| (16) <i>Akanthomyces araneicola</i> TYPE GY29011 | 0,062 | 0,062 | 0,062 | n.a. | 0,064 | 0,060 | 0,056 | 0,040 | 0,043 | 0,043 | 0,056 | 0,056 | 0,056 | 0,053 | 0,053 | 0,040 | 0,040 | 0,041 | 0,039 | 0,097 | 0,085 | 0,098 | 0,036 | 0,027 | 0,087 | 0,043 | 0,096 | 0,093 | 0,101 | (16) | |
| (17) <i>Akanthomyces araneogenum</i> GZUIF SN1 | 0,060 | 0,060 | 0,060 | n.a. | 0,062 | 0,046 | 0,058 | 0,040 | 0,045 | 0,051 | 0,060 | 0,060 | 0,060 | 0,055 | 0,055 | 0,045 | 0,011 | 0,010 | 0,010 | 0,099 | 0,094 | 0,100 | 0,046 | 0,032 | 0,091 | 0,052 | 0,104 | 0,101 | 0,108 | (17) | |
| (18) <i>Akanthomyces farinosa</i> TYPE CBS 541.81 | 0,074 | 0,074 | 0,074 | n.a. | 0,076 | 0,061 | 0,072 | 0,054 | 0,058 | 0,065 | 0,074 | 0,074 | 0,074 | 0,069 | 0,069 | 0,056 | 0,019 | 0,001 | 0,001 | 0,099 | 0,093 | 0,101 | 0,047 | 0,035 | 0,092 | 0,051 | 0,103 | 0,101 | 0,110 | (18) | |
| (19) <i>Akanthomyces coccidioperitheciatus</i> NHJ 6709 | 0,058 | 0,058 | 0,058 | n.a. | 0,060 | 0,042 | 0,056 | 0,038 | 0,043 | 0,049 | 0,058 | 0,058 | 0,058 | 0,053 | 0,053 | 0,043 | 0,002 | 0,022 | 0,000 | 0,099 | 0,093 | 0,101 | 0,046 | 0,034 | 0,091 | 0,049 | 0,102 | 0,099 | 0,108 | (19) | |
| (20) <i>Akanthomyces kanyavimiae</i> TBRC 7242 | 0,057 | 0,057 | 0,057 | n.a. | 0,060 | 0,041 | 0,055 | 0,038 | 0,043 | 0,049 | 0,057 | 0,057 | 0,057 | 0,053 | 0,053 | 0,043 | 0,002 | 0,022 | 0,000 | 0,099 | 0,093 | 0,101 | 0,046 | 0,034 | 0,091 | 0,049 | 0,102 | 0,099 | 0,108 | (20) | |
| (21) <i>Akanthomyces noctuidarum</i> TYPE BCC36265 | 0,090 | 0,090 | 0,090 | n.a. | 0,093 | 0,107 | 0,084 | 0,065 | 0,075 | 0,088 | 0,090 | 0,090 | 0,090 | 0,090 | 0,082 | 0,084 | 0,098 | 0,084 | 0,084 | 0,069 | 0,075 | 0,101 | 0,093 | 0,057 | 0,113 | 0,078 | 0,128 | 0,130 | (21) | | |
| (22) <i>Akanthomyces pyralidarum</i> TYPE BCC28816 | 0,092 | 0,092 | 0,092 | n.a. | 0,090 | 0,106 | 0,090 | 0,078 | 0,085 | 0,090 | 0,098 | 0,098 | 0,098 | 0,094 | 0,094 | 0,096 | 0,096 | 0,116 | 0,096 | 0,096 | 0,085 | 0,059 | 0,089 | 0,079 | 0,046 | 0,099 | 0,053 | 0,119 | 0,127 | (22) | |
| (23) <i>Akanthomyces tortricidarum</i> TYPE BCC72638 | 0,075 | 0,075 | 0,075 | n.a. | 0,077 | 0,070 | 0,069 | 0,056 | 0,062 | 0,071 | 0,079 | 0,079 | 0,079 | 0,077 | 0,077 | 0,060 | 0,068 | 0,082 | 0,066 | 0,066 | 0,079 | 0,068 | 0,100 | 0,084 | 0,050 | 0,112 | 0,070 | 0,119 | 0,127 | (23) | |
| (24) <i>Akanthomyces sulphureus</i> TYPE TBRC 7248 | 0,062 | 0,062 | 0,062 | n.a. | 0,064 | 0,065 | 0,062 | 0,043 | 0,047 | 0,053 | 0,066 | 0,066 | 0,066 | 0,064 | 0,064 | 0,049 | 0,064 | 0,078 | 0,062 | 0,062 | 0,091 | 0,090 | 0,064 | 0,029 | 0,087 | 0,010 | 0,097 | 0,095 | 0,103 | (24) | |
| (25) <i>Akanthomyces thailandicus</i> TYPE TBRC 7245 | 0,072 | 0,072 | 0,072 | n.a. | 0,075 | 0,060 | 0,075 | 0,058 | 0,057 | 0,064 | 0,077 | 0,077 | 0,077 | 0,072 | 0,072 | 0,047 | 0,045 | 0,058 | 0,043 | 0,042 | 0,097 | 0,090 | 0,066 | 0,058 | 0,085 | 0,032 | 0,091 | 0,097 | 0,097 | (25) | |
| (26) <i>Akanthomyces tuberculatus</i> OSC 111002 | 0,049 | 0,049 | 0,049 | n.a. | 0,052 | 0,060 | 0,047 | 0,052 | 0,051 | 0,060 | 0,056 | 0,056 | 0,056 | 0,054 | 0,054 | 0,081 | 0,083 | 0,097 | 0,081 | 0,081 | 0,103 | 0,089 | 0,075 | 0,086 | 0,092 | 0,100 | 0,055 | 0,116 | 0,114 | (26) | |
| (27) <i>Akanthomyces waltergamsii</i> TYPE TBRC 7252 | 0,055 | 0,055 | 0,055 | n.a. | 0,058 | 0,055 | 0,053 | 0,036 | 0,036 | 0,043 | 0,055 | 0,055 | 0,055 | 0,053 | 0,053 | 0,047 | 0,055 | 0,069 | 0,053 | 0,053 | 0,090 | 0,085 | 0,064 | 0,015 | 0,055 | 0,077 | 0,108 | 0,096 | 0,109 | (27) | |
| (28) <i>Akanthomyces aculeatus</i> NTUCC 20-060 | 0,079 | 0,079 | 0,079 | n.a. | 0,075 | 0,069 | 0,079 | 0,076 | 0,072 | 0,083 | 0,083 | 0,083 | 0,083 | 0,083 | 0,083 | 0,090 | 0,087 | 0,105 | 0,085 | 0,085 | 0,101 | 0,075 | 0,072 | 0,094 | 0,091 | 0,082 | 0,083 | 0,122 | 0,135 | (28) | |
| (29) <i>Samsoniella alboaurantia</i> TYPE CBS 240.32 | 0,052 | 0,052 | 0,052 | n.a. | 0,050 | 0,056 | 0,041 | 0,056 | 0,056 | 0,052 | 0,049 | 0,049 | 0,049 | 0,043 | 0,043 | 0,086 | 0,079 | 0,087 | 0,082 | 0,082 | 0,108 | 0,110 | 0,090 | 0,088 | 0,097 | 0,088 | 0,079 | 0,112 | 0,108 | (29) | |
| (30) <i>Beauveria bassiana</i> TYPE ARSEF 1564 | 0,065 | 0,065 | 0,065 | n.a. | 0,063 | 0,071 | 0,056 | 0,044 | 0,051 | 0,065 | 0,065 | 0,065 | 0,065 | 0,067 | 0,067 | 0,074 | 0,082 | 0,095 | 0,080 | 0,080 | 0,100 | 0,102 | 0,082 | 0,074 | 0,091 | 0,085 | 0,060 | 0,098 | 0,071 | (30) | |
| ITS | (1) | (2) | (3) | (4) | (5) | (6) | (7) | (8) | (9) | (10) | (11) | (12) | (13) | (14) | (15) | (16) | (17) | (18) | (19) | (20) | (21) | (22) | (23) | (24) | (25) | (26) | (27) | (28) | (29) | (30) | |

n.a. = sequence data not available