



DISTRIBUCIÓN DE LINAJES MITOCONDRIALES EN POBLACIONES DEL FALDEO OCCIDENTAL DE LAS SIERRAS DE COMECHINGONES

Pauro, M.¹; Gacía, A.¹; Bravi, C.² y Demarchi, D.¹

1: Museo de Antropología, FFyH, UNC, Córdoba, Argentina. demarchi@ffyh.unc.edu.ar 2: Instituto Multidisciplinario de Biología Celular (IMBICE), Argentina.

La población actual de Argentina es resultado de un profundo mestizaje entre poblaciones de diversos orígenes, producido a través de diferentes eventos migratorios. Esta condición ha sido demostrada a partir de numerosos estudios basados en marcadores moleculares. El objetivo del presente trabajo fue determinar la incidencia y distribución de linajes mitocondriales amerindios, eurasiáticos y africanos en poblaciones de San Luí. Puntualmente, se realizó el análisis molecular en marcadores mitocondriales utilizados para determinar la procedencia continental en una muestra de 138 habitantes “criollos” de 4 localidades ubicadas a lo largo del Valle de Conlara, San Luí (Concarán, Santa Rosa de Conlara, Tilisarao y La Toma). El análisis de polimorfismos específicos para los haplogrupos A, B, C y D mediante PCR-RFLP permitió determinar un origen americano en el 84 % del total de individuos analizados. La incidencia varía significativamente entre los lugares de muestreo (Test exacto $p = 0,042$), entre un 68% (Concarán) y 94% (Santa Rosa de Conlara). Por otra parte, la distribución de haplogrupos nativos también muestra diferencias significativas entre las poblaciones (Test exacto $p = 0,027$). Mientras que en Tilisarao los 4 haplogrupos están más o menos igualmente representados, en Concarán más de la mitad de la muestra presenta el haplogrupo B, y en La Toma y Santa Rosa de Conlara el A y el C, respectivamente, son los linajes con mayor prevalencia. Los individuos que no presentaron haplogrupos nativos fueron caracterizados mediante PCR-RFLP para el polimorfismo 10873, lo que permitió determinar que el 12 % de la muestra total pertenece al macro-haplogrupo N. Considerando las principales fuentes del mestizajes en Argentina, probablemente esos individuos sean de ascendencia europea o de Medio Oriente. Por último, el componente africano está representado en apenas el 4 % de la muestra total. La distribución de frecuencias de individuos de ascendencia africana varió entre un máximo del 7 % en Tilisarao, estando ausente en Santa Rosa de Conlara. Es interesante destacar que a pesar de las cortas distancias geográficas que separan las poblaciones, existe una marcada heterogeneidad genética, lo que sugiere un panorama evolutivo bastante complejo y/o un origen genético diferente para estas poblaciones.