

LINAJES PATERNOS Y APELLIDOS EN GENEALOGÍAS Y POBLACIONES HUMANAS

Bailliet, G¹; Muzzio, M¹; Ramallo, V¹; Alfaro, EL²; Dipierri, JE²; Bianchi, NO¹

¹IMBICE. ²INBIAL – UNJu. gbailliet@imbice.org.ar

En comunidades pequeñas o aisladas es posible identificar relaciones de parentesco paterno a través de marcadores moleculares del cromosoma Y. En este trabajo se analiza la correlación entre apellidos e identidad molecular de los cromosomas Y en 14 muestras provenientes de individuos de una genealogía extensamente documentada de La Rioja (Aicuña), 59 de una población aislada y pequeña de Catamarca (Azampay) y 92 provenientes de 3 capitales del NOA (Salta, Catamarca y Tucumán). Se utilizaron 11 marcadores SNP y 7 microsatélites (DYS19, 389 a y b, 390, 391, 392 y 393) del cromosoma Y para caracterizar haplogrupos y haplotipos, que otorgan alta definición para identificar linajes emparentados. La concordancia entre apellidos y haplotipos en la genealogía fue del 60%, en la población aislada fue del 27% y en las 3 ciudades del NOA tomadas en conjunto fue el 3.3%. Los tres grupos se diferenciaron en frecuencia y número de apellidos y de haplotipos. La diversidad de haplotipos fue mayor al 76% en las tres poblaciones. La diversidad de apellidos fue 0.36 en la genealogía, 0.87 en la población aislada y 0.97 en el NOA. Estos resultados muestran que el aumento del tamaño poblacional y fenómenos migratorios disminuyen las posibilidades de encontrar concordancias entre apellidos y linajes paternos. Posiblemente mecanismos como el bautismo y la herencia materna del apellido también contribuyan a esta discordancia.

Palabras clave: genealogías, apellidos, linajes paternos, cromosoma Y / Genealogy, surnames, paternal lineages, Y chromosome