

DISTRIBUCIÓN DE LINAJES PARENTALES NATIVOS EN POBLACIONES DE LA PROVINCIA DE CÓRDOBA

Demarchi, Darío A; García-Ministro, Angelina

Museo de Antropología, FFyH UNC, CONICET. dariodemarchi@gmail.com

Se realiza la tipificación molecular de una muestra de 269 habitantes “criollos” de distintas localidades de la provincia de Córdoba en los marcadores que determinan los haplogrupos/linajes mitocondriales amerindios y en los marcadores M3 (DYS199*T) y M242, diagnósticos de linajes paternos amerindios. El 80 % de la muestra total pudo ser asignado a uno de los cuatro linajes maternos amerindios. Esta proporción no muestra diferencias significativas entre las localidades relevadas (Test exacto $p > 0,05$), variando entre 90% en Villa Dolores y 70% en Chancaní. La distribución de haplogrupos entre regiones resultó similar, siendo casi siempre el haplogrupo C el más frecuente. Por otra parte, sólo el 6% de los varones investigados poseen la variante DYS199*T, característica de amerindios. En ninguna de las muestras masculinas se observó en el polimorfismo M242 la variante observada en americanos. Los resultados muestran un patrón, que parece ser regla general en Sudamérica, según el cual las mujeres nativas y los inmigrantes varones fundaron las bases genéticas de las poblaciones. La evidencia genética indica que, simultáneamente con el colapso de las poblaciones aborígenes después de la Conquista, existió una virtual asimilación de las poblaciones nativas en la población “criolla” a través de sus mujeres, mientras que la mayoría de los linajes paternos se perdieron.

Palabras clave: ADNmt, Cromosoma Y, contribución asimétrica

Keywords: mtDNA, Y Chromosome, Asymmetric contribution