

EVALUACIÓN DE LA SUBESTRUCTURA GENÉTICA EN LA POBLACIÓN ARGENTINA EVALUADA POR STRS AUTOSÓMICOS E Y-STRS

Marino, Miguel; Bobillo, Cecilia; Sala, Andrea; Corach, Daniel

Servicio de Huellas Digitales Genéticas y Cátedra de Genética y Biología Molecular, Facultad de Farmacia y Bioquímica-UBA

El análisis de linajes uniparentales permitió, anteriormente, establecer el aporte relevante de las poblaciones originarias al acervo génico de la actual población argentina. Para investigar si nuestra población se encuentra subestructurada analizamos un conjunto de 15 STRs autosómicos (N=5.282) y 9 Y-STRs (N=1.136). Las muestras fueron tomadas de áreas urbanas de 10 provincias: Buenos Aires, Santa Fe, Mendoza, Río Negro, Chubut, Misiones, Formosa, Chaco, Corrientes y Salta, incluyéndose además muestras de Pilagá, Toba y Guaraníes, con fines comparativos. Determinamos las frecuencias alélicas, genotípicas y haplotípicas, evaluándose el equilibrio de Hardy-Weinberg en los sistemas autosómicos. Evaluamos la Varianza Molecular (AMOVA) y determinamos la distancia genética mediante F_{st} , entre las poblaciones muestreadas. Los resultados emergentes del análisis de marcadores autosómicos indican que las distancias genéticas no presentan diferencias significativas entre la mayoría de las poblaciones analizadas, siendo Salta la única que difiere significativamente con respecto a las demás provincias (F_{st} : 0.00484-0.01601, p : 0.0498-0.0000). A partir de los resultados de Y-STRs determinamos una Diversidad Haplotípica de 0.9967, que exhibe además una notable homogeneidad en la distribución haplotípica determinada por AMOVA, no obstante, cierto grado de subestructura genética pudo ser detectada en la región Norte, en particular en la provincia de Salta, coincidiendo con los resultados de autosómicos. El análisis de distancia genética permite establecer tres grupos uno de los cuales incluye a la población de Salta junto con los grupos amerindios analizados. Los resultados obtenidos resaltan el interés de las poblaciones del NOA en las que se destaca el componente autóctono de nuestra población.