

## **ESTIMACIÓN DE LA MEZCLA GÉNICA EN GRUPOS NEGROS DEL ECUADOR A PARTIR DE POLIMORFISMOS DEL CROMOSOMA Y, DEL ADN MITOCONDRIAL Y DE MARCADORES AUTOSÓMICOS.**

Martínez Marignac, Verónica L.<sup>1</sup>; Bravi Claudio M.<sup>1</sup>; Oviedo, Galos Canto<sup>2</sup>; Bianchi Néstor O<sup>1</sup>.

<sup>1</sup>IMBICE. calle 526 e/10 y 11. La Plata CP. 1.900. imbice@netverk.com

<sup>2</sup>Universidad Central del Ecuador. Quito. Ecuador.

Se caracterizó el acervo de muestras de individuos negros provenientes de dos regiones del norte del Ecuador (región andina: Imbabura y Pichincha; región costera: Esmeraldas) por medio de tres sistemas genéticos (ADNmt, cromosoma Y y marcadores autosómicos).

La mezcla génica de 119 individuos negros (58 individuos de Imbabura y Pichincha, y 61 individuos de Esmeraldas) se obtuvo por medio de 10 polimorfismos autosómicos bialélicos. Se analizaron además, 116 individuos para 16 marcadores mitocondriales y 37 varones para 6 polimorfismos específicos del cromosoma Y.

Los resultados para en la región costera de marcadores autosómicos mostraron el aporte de grupos europeos y amerindios a un acervo principalmente africano ( $58\% \pm 5$ ); los linajes determinados por medio del ADNmt en esta región resultaron: el 72% de origen amerindio y un 28%, africano. La región andina presentó un acervo autosómico de origen mayoritariamente europeo ( $50\% \pm 5$ ) y africano ( $53\% \pm 1$ ); mientras que los linajes mitocondriales resultaron amerindios y africanos en un 53% y 47%, respectivamente. Los marcadores específicos del cromosoma Y permitieron resolver el origen étnico/geográfico de los linajes en un 58% de los varones.

Las diferencias obtenidas a través de los tres sistemas muestran el apareamiento direccional que se corresponde con la historia del contacto interétnico sucedido en las regiones estudiadas.