

**FARMACOGENETICA EN POBLACIONES SUDAMERICANAS**

Bailliet Graciela; Bianchi Néstor O.

IMBICE 526 e/10 y 11. 1900 La Plata, Argentina.  
imbice@satlink.com

Las diferencias alélicas en los genes del Citocromo P450 2D6 (GSTM1), de la N-acetiltransferasa (NAT2) y del Glutathión transferasa m1 (GSTM1) han mostrado estar asociadas con el riesgo genético de desarrollar enfermedades ambientales y ocupacionales. Estas enzimas exhiben variabilidad en la actividad metabólica, ocasionada por variantes alélicas producidas por mutaciones. Este es un estudio preliminar de las frecuencias alélicas de los genes CYP2D6, NAT2 y GSTM1 en Nativos Americanos. Se han analizado 128 cromosomas pertenecientes a 6 poblaciones diferentes: 4 de Argentina (Wichi, Tehuelche, Mapuche y Jujuy) y 2 de Paraguay (Lengua, Ayoreo). Se analizaron 9 mutaciones diagnósticas del gen CYP2D6: C188T, G212A, Ins T226, Del T1795, G1846T/A, G1934A, C2938T, DelA2637 y G1749C; 3 mutaciones de gen NAT2: 481T, 590A y 857C; y la pérdida del gen GSTM1. Se encontró un aumento significativo ( $P < 0.001$ ) en los alelos 10, 12 y 14 del gen CYP2D6 entre nuestros resultados y los descriptos para poblaciones Europeas. Se encontraron un aumento de la frecuencia del 857C y una disminución del alelo 590A del gen NAT2 que fueron significativos ( $P < 0.001$ ). También fue significativo el descenso de la frecuencia del genotipo homocigota nulo del gen GSTM1 ( $P = 0.047$ ). La frecuencia genotípica de los homocigotas de bajo poder metabolizante en poblaciones americanas no mostró menor capacidad metabolizante promedio.