

## Hallazgo de *Leptospira borgpetersenii* en ciervo de los pantanos (*Blastocerus dichotomus*)

MARÍA MARCELA OROZCO<sup>1,2</sup>, HERNÁN DARÍO ARGIBAY<sup>3</sup>,  
ARIEL GASTÓN NAGEL<sup>4</sup>, GEORGINA SIGNORELLI NUÑEZ<sup>4</sup> Y  
KARINA CAIMI<sup>4</sup>

<sup>1</sup> Instituto de Ecología, Genética y Evolución de Buenos Aires (IEGEB-CONICET). Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

<sup>2</sup> Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires (UBA). Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

<sup>3</sup> Instituto Gonçalo Moniz, Fundação Oswaldo Cruz. San Salvador, Brasil

<sup>4</sup> Instituto de Agrobiotecnología y Biología Molecular (IABIMO) (INTA-CONICET). Castelar, Buenos Aires, Argentina

[marcelaorozco.vet@gmail.com](mailto:marcelaorozco.vet@gmail.com)

La leptospirosis es una zoonosis reemergente ampliamente extendida causada por bacterias pertenecientes al género *Leptospira*. Los animales silvestres pueden padecer la enfermedad y actuar como reservorios de la bacteria, cuya principal vía de transmisión es el agua. El ciervo de los pantanos (*Blastocerus dichotomus*) es un cérvido nativo dependiente de humedales que se distribuye en el corredor fluvial Paraná-Paraguay y áreas de influencia. Durante la última década sus poblaciones atravesaron episodios de mortalidad de origen multifactorial. Dado que los humedales constituyen escenarios propicios para la transmisión de *Leptospira*, investigamos la ocurrencia de este agente en ciervos hallados muertos entre 2015 y 2017 en Corrientes y Bajo Delta. Se obtuvieron muestras de orina y/o riñón de 14 animales. Para ambos tipos de muestra se utilizaron dos

alícuotas, que se procesaron tanto para extracción de ADN y posterior caracterización molecular como para aislamiento. A partir de los ADN obtenidos se realizó la caracterización a nivel de especie mediante amplificación por PCR del gen 16S rARN. El procesamiento de las muestras para aislamiento se realizó sembrando una alícuota de orina y diluciones seriadas de macerados de los riñones en medio semisólido EMJH adicionado con 5-fluorouracilo. El 14 % de las muestras (2/14) fueron positivas por PCR, en un caso a partir de orina y en el otro de riñón. Respecto de los aislamientos, el porcentaje de recuperación fue de 7 % (1/14) en la muestra positiva de riñón. La secuenciación del gen 16S rRNA determinó que en ambos casos la especie identificada fue *Leptospira borgpetersenii*. Este estudio nos permitió identificar y aislar por primera vez en Argentina *L. borgpetersenii* a partir de tejidos de ciervos de los pantanos. *Leptospira borgpetersenii* se encuentra exclusivamente en el hospedador, generalmente en bovinos, habiendo perdido su capacidad de replicarse en el ambiente. Estos resultados abren un nuevo interrogante acerca de la diseminación de esta bacteria en poblaciones de fauna silvestre y las posibilidades de transmisión al humano, y evidencian la importancia de implementar de rutina los aislamientos en muestras de animales silvestres a fin de incrementar el conocimiento epidemiológico de esta bacteria y su implicancia en la vida silvestre.

**Palabras clave:** *Leptospira borgpetersenii*, *Blastocercus dichotomus*, zoonosis, humedales.