

ESTADO ACTUAL DEL CONOCIMIENTO DE LA BIOLOGIA DE GRUPOS ABORIGENES DE LA ARGENTINA.

Carnese, Francisco R.

Sección Antropología Biológica, Instituto de Ciencias Antropológicas. Facultad de Filosofía y Letras, UBA. E-mail: antbiol@filo.uba.ar

Desde el año 1927 y hasta mediados de la década de 1980, los estudios genéticos poblacionales en aborígenes argentinos se circunscribieron principalmente al análisis y distribución de los grupos sanguíneos. Hacia fines de esa década comienzan a emplearse otros marcadores genéticos para la caracterización biológica de esos grupos humanos: enzimas eritrocitarias, proteínas séricas, sistemas HLA, Gm/Km, ADNn y ADNmt. Parte de esa información se empleó en el análisis de la diversidad genética de poblaciones del Chaco (wichí, toba y chorote) y de la Patagonia (mapuche y tehuelche) a diferentes niveles jerárquicos: proteico, nuclear y mitocondrial. La variabilidad genética intrapoblacional varió del 91% al 99%, mientras que el porcentaje de diferenciación genética interpoblacional (Gst') se incrementó desde el nivel proteico al molecular (proteico: $Gst'=3.6\%$; ADNn: $Gst'=6.0\%$ y ADNmt: $Gst'=10\%$). Al comparar los datos de los aborígenes argentinos (AA) con otras poblaciones indígenas sudamericanas (IS) se observaron similares valores de Gst' a nivel proteico (AA: $Gst'=3.6\%$, IS: $Gst'=3.0\%-6.0\%$) y más bajos a nivel nuclear (AA: $Gst'=6.0\%$, IS: $Gst'=11\%-13\%$) y mitocondrial (AA: $Gst'=8\%$, IS: $Gst'=26\%-36\%$). Los valores de Gst' hallados en AA son los más bajos encontrados en IS, lo cual sugiere la existencia de un intenso flujo génico entre los habitantes del norte y del sur del país. Estos resultados parecen corresponderse con la información arqueológica e histórica.